

ÁCIDO ÚRICO ENZIMÁTICO

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/100-100	100	1000
100/100-200	200	2000

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	2.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	2.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	2.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	100.00	Sub Param.	1	up	down						
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting							
R2 volume	0.00	Name	ACUR	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting	
R1 Extra vol		Digits	2			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare	
R2e Extra vol		M-wave.L.	505nm								
R2 Extra vol		S-wave.L.	658nm								
		Anal.mthd	EPA								
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD								
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do								
R2 diluent vol	0.00										
Sample Vol (S)	2.00			Calculation method setting		M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	17	Reac. typ	Inc
Sample Vol (U)	2.00	Qualit. Judgment set		M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	18	Reaction rate method			
		Real time correct form		M-DET.P.n	41			Cycle	2		
		Reanalysis conditions		Check D.P.I	0			Factor	2.0		
		Rerun conditions set		Limit value	0.003			E2 corre	Not do		
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting		Variance	10.0			blank (µ)	9.9999		
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting		*Prozone				blank (d)	-9.9999		
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting		Prozone form	None			Sample (µ)	9.9999		
Reaction Time	10 min			Prozone limit	9.999			Sample (d)	-9.9999		
				Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method			
				Judge limit	9.999						
Analysis item											
Condition setting (M)				M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb (µ)	9.9999		
				M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb (µ)	-9.9999		
								IMA setting			
								Setting			
								Allowance			

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

ALBUMINA

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/110-200	200	1000

Multi-Standards setting									
Formula	Linear correction		BLANK: passes		Axis conv.	No convert.		Points	3
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions											
R1 volume	200.00	Sub Param. 46		1	up	down					
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions			Standards setting						
R2 volume	0.00	Name	ALB	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting	
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare	
R1 Extra vol		M-wave.L.	596nm								
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm								
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA								
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD								
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do								
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting									
Sample Vol (S)	1.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc				
Sample Vol (U)	1.00	Qualit. Judgment set	M-DET.P.m	18	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		Real time correct form	M-DET.P.n	19	Cycle						2
		Reanalysis conditions	Check D.P.I	0	Factor						2.0
		Rerun conditions set	Limit value	0.003	E2 corre						Not do
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting	Variance	10.0	blank (µ)						9.9999
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting	*Prozone								
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting	Prozone form	None	blank (d)						-9.9999
Reaction Time	10 min		Prozone limit	9.999	Sample (µ)						9.9999
			Prozone judge	Upper limit	Sample (d)						-9.9999
			Judge limit	9.999	*Endpoint method						
Analysis item											
Condition setting (M)		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb (µ)	9.9999				
		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb (µ)	-9.9999				
		IMA setting									
		Setting									
		Allowance									

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

α-AMILASE

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/130-060	060	600

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	100.00	Sub Param. 46	1	up	down						
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting							
R2 volume	0.00	Name	AMI	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting	
R1 Extra vol		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare	
R2e Extra vol		M-wave.L.	410nm								
R2 Extra vol		S-wave.L.	694nm								
		Anal.mthd	RRA								
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD								
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do								
R2 diluent vol	0.00										
Sample Vol (S)	1.00	Qualit. Judgment set		Calculation method setting		M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc
Sample Vol (U)	1.00	Real time correct form		M-DET.P.m	14	S-DET.P.r	0	Reaction rate method			
		Reanalysis conditions		M-DET.P.n	23			Cycle	2		
		Rerun conditions set		Check D.P.I	0			Factor	2.0		
		Mark setting		Limit value	0.003			E2 corre	Not do		
Reagent 1 stir	Weak	Normal Value setting		Variance	10.0			blank (µ)	9.9999		
Reagent 2e stir	Weak	Abnormal Value setting		*Prozone				blank (d)	-9.9999		
Reagent 2 stir	Weak			Prozone form	None			Sample (µ)	9.9999		
Reaction Time	10 min			Prozone limit	9.999			Sample (d)	-9.9999		
				Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method			
				Judge limit	9.999						
Analysis item											
Condition setting (M)				M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb (µ)	9.9999		
				M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb (µ)	-9.9999		
								IMA setting			
								Setting			
								Allowance			

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

α -1-GLICOPROTEÍNA ÁCIDA

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/120-050	050	500

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	200.00	Sub Param. 46	1	up	down					
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting						
R2 volume	0.00	Name	α - GLIC	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
R1 Extra vol		Digits	1	BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare		
R2e Extra vol		M-wave.L.	340nm							
R2 Extra vol		S-wave.L.								
R1 diluent vol	0.00	Anal.mthd	RRA							
R2e diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2 diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
Sample Vol (S)	2.00	Qualit. Judgment set		M-DET.P.l	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc	
Sample Vol (U)	2.00	Real time correct form		M-DET.P.m	14	S-DET.P.r	0	Reaction rate method		
Reagent 1 stir	Weak	Reanalysis conditions		M-DET.P.n	23	Cycle	2			
Reagent 2e stir	Weak	Rerun conditions set		Check D.P.I	0	Factor	2.0			
Reagent 2 stir	Weak	Mark setting		Limit value	0.003	E2 corre	Not do			
Reaction Time	10 min	Normal Value setting		Variance	150	blank(μ)	9.9999			
		Abnormal Value setting		*Prozone		blank(d)	-9.9999			
				Prozone form	None	Sample(μ)	9.9999			
				Prozone limit	9.999	Sample(d)	-9.9999			
				Prozone judge	Upper limit	*Endpoint method				
				Judge limit	9.999	Re.absorb(μ)	9.9999			
Analysis item				M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re.absorb(μ)	-9.9999	
Condition setting (M)				M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0			
				IMA setting						
				Setting						
				Allowance						

Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

ASO TURBIDIMÉTRICO

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
700/110-050	50	500
700/110-100	100	1000

Multi-Standards setting									
Formula	Linear correction		BLANK: passes		Axis conv.	No convert.		Points	3
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions										
R1 volume	80.00	Sub Param. 1 up down								
R2e volume	20.00	Sub -anali-conditions			Standards setting					
R2 volume	0.00	Name	ASO	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	546nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	-							
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	1.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	0.00	M-DET.P.m	21	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		Qualit. Judgment set	M-DET.P.n	42		Cycle	3			
		Real time correct form	Check D.P.I	0		Factor	3.0			
		Reanalysis conditions	Limit value	0.003		E2 corre	Not do			
		Rerun conditions set	Variance	10.0		blank (µ)	9.9999			
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting	*Prozone			blank (d)	-9.9999			
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting	Prozone form	None		Sample (µ)	9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting	Prozone limit	9.999		Sample (d)	-9.9999			
Reaction Time	10 min		Prozone judge	Upper limit		*Endpoint method				
			Judge limit	9.999		Re. absorb (µ)	9.9999			
Analysis item			M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb (µ)	-9.9999		
Condition setting (M)			M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0				
			IMA setting							
			Setting							
			Allowance							

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

BILIRRUBINA DMSO FRAÇÃO DIRETA

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/150-100	100	1000

Multi-Standards setting									
Formula	Linear correction		BLANK:passes		Axis conv.	No convert.		Points	3
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	5.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	5.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	5.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions											
R1 volume	100.00	Sub Param.46			1	up	down				
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions				Standards setting					
R2 volume	3.00	Name	BDIR	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting	
		Digits	2			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare	
R1 Extra vol		M-wave.L.	545nm								
R2e Extra vol		S-wave.L.	658nm								
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA								
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD								
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do								
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting									
Sample Vol (S)	5.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	17	Reac. typ	Inc				
Sample Vol (U)	5.00	Qualit. Judgment set	M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	18	Reaction rate method				
		Real time correct form	M-DET.P.n	41	Cycle						2
		Reanalysis conditions	Check D.P.I	0	Factor						2.0
		Rerun conditions set	Limit value	0.003	E2 corre						Not do
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting	Variance	10.0	blank(µ)						9.9999
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting	*Prozone								
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting	Prozone form	None	blank(d)						-9.9999
Reaction Time	10 min		Prozone limit	9.999	Sample(µ)						9.9999
			Prozone judge	Upper limit	Sample(d)						-9.9999
			Judge limit	9.999	*Endpoint method						
Analysis item											
Condition setting (M)		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(µ)	9.9999				
		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb(µ)	-9.9999				
		IMA setting									
		Setting									
		Allowance									

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

BILIRRUBINA DMSO FRAÇÃO TOTAL

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/160-100	100	1000

Multi-Standards setting										
Formula	Linear correction		BLANK:passes		Axis conv.	No convert.		Points	3	
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L		
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume				
BLK	0.0	5.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
1	@	5.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
2	@	5.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
Analytical Conditions										
R1 volume	100.00	Sub Param.46		1	up	down				
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions			Standards setting					
R2 volume	3.00	Name	BTOT	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	2			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	545nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	*****							
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	5.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	17	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	5.00	Qualit. Judgment set	M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	18	Reaction rate method			
		Real time correct form	M-DET.P.n	41		Cycle	2			
		Reanalysis conditions	Check D.P.I	0		Factor	2.0			
		Rerun conditions set	Limit value	0.003		E2 corre	Not do			
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting	Variance	10.0		blank(μ)	9.9999			
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting	*Prozone			blank(d)	-9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting	Prozone form	None		Sample(μ)	9.9999			
Reaction Time	10 min		Prozone limit	9.999		Sample(d)	-9.9999			
			Prozone judge	Upper limit		*Endpoint method				
			Judge limit	9.999						
Analysis item			M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(μ)	9.9999		
Condition setting (M)			M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb(μ)	-9.9999		
			IMA setting							
			Setting							
			Allowance							

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

CÁLCIO ARSENAZO

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/190-100	100	1000

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analitical Conditions

R1 volume	100.00	Sub Param. 46	1	up	down						
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting							
R2 volume	0.00	Name	CAL	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting	
		Digits	2			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare	
R1 Extra vol		M-wave.L.	658nm								
R2e Extra vol		S-wave.L.	*****								
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA								
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD								
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do								
R2 diluent vol	0.00										
Sample Vol (S)	1.00			Calculation method setting		M-DET.P.l	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc
Sample Vol (U)	1.00	Qualit. Judgment set		M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	0	Reaction rate method			
		Real time correct form		M-DET.P.n	41			Cycle	2		
		Reanalysis conditions		Check D.P.I	0			Factor	2.0		
		Rerun conditions set		Limit value	0.003			E2 corre	Not do		
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting		Variance	10.0			blank(μ)	9.9999		
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting		*Prozone		Prozone form	None	blank(d)	-9.9999		
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting		Prozone limit	9.999	Prozone judge	Upper limit	Sample(μ)	9.9999		
Reaction Time	10 min			Judge limit	9.999			Sample(d)	-9.9999		
								*Endpoint method			
Analysis item				M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(μ)	9.9999		
Condition setting (M)				M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb(μ)	-9.9999		
								IMA setting			
								Setting			
								Allowance			

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

CK-MB

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/220-050	50	1250
100/2201-0	100	2500

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	3.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	3.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	3.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	64.00	Sub Param. 46	1	up	down					
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting						
R2 volume	16.00	Name	CKMB	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	0			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	340nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00									
Sample Vol (S)	3.00			M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc	
Sample Vol (U)	3.00	Qualit. Judgment set		M-DET.P.m	28	S-DET.P.r	0	Reaction rate method		
		Real time correct form		M-DET.P.n	40			Cycle	2	
		Reanalysis conditions		Check D.P.I	0			Factor	2.0	
		Rerun conditions set		Limit value	0.003			E2 corre	Not do	
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting		Variance	10.0			blank (µ)	9.9999	
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting		*Prozone				blank (d)	-9.9999	
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting		Prozone form	None			Sample (µ)	9.9999	
Reaction Time	10 min			Prozone limit	9.999			Sample (d)	-9.9999	
				Prozone judge	Upper limit					
				Judge limit	9.999			*Endpoint method		
Analysis item				M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb (µ)	9.9999	
Condition setting (M)				M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb (µ)	-9.9999	
								IMA setting		
								Setting		
								Allowance		

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

CK-NAC

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/230-050	50	1250
100/230-100	100	2500

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.5	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.5	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.5	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	64.00	Sub Param. 46	1	up	down					
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting						
R2 volume	16.00	Name	CKNAC	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	0			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	340nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00									
Sample Vol (S)	1.50			M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc	
Sample Vol (U)	1.50	Qualit. Judgment set		M-DET.P.m	30	S-DET.P.r	0	Reaction rate method		
		Real time correct form		M-DET.P.n	39			Cycle	2	
		Reanalysis conditions		Check D.P.I	0			Factor	2.0	
		Rerun conditions set		Limit value	0.003			E2 corre	Not do	
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting		Variance	10.0			blank(μ)	9.9999	
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting		*Prozone				blank(d)	-9.9999	
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting		Prozone form	None			Sample(μ)	9.9999	
Reaction Time	10 min			Prozone limit	9.999			Sample(d)	-9.9999	
				Prozone judge	Upper limit					
				Judge limit	9.999			*Endpoint method		
Analysis item										
Condition setting (M)				M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(μ)	9.9999	
				M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb(μ)	-9.9999	
								IMA setting		
								Setting		
								Allowance		

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

COLESTEROL ENZIMÁTICO

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/280-200	200	2000
100/280-500	500	5000

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	100.00	Sub Param. 46	1	up	down					
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting						
R2 volume	0.00	Name	COL	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
R1 Extra vol		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R2e Extra vol		M-wave.L.	505nm							
R2 Extra vol		S-wave.L.	658nm							
		Anal.mthd	EPA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00									
Sample Vol (S)	1.00			Calculation method setting						
Sample Vol (U)	1.00	Qualit. Judgment set		M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc	
		Real time correct form		M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	0	Reaction rate method		
		Reanalysis conditions		M-DET.P.n	41			Cycle	2	
		Rerun conditions set		Check D.P.I	0			Factor	2.0	
		Mark setting		Limit value	0.003			E2 corre	Not do	
Reagent 1 stir	Weak	Normal Value setting		Variance	10.0			blank (µ)	9.9999	
Reagent 2e stir	Weak	Abnormal Value setting		*Prozone				blank (d)	-9.9999	
Reagent 2 stir	Weak			Prozone form	None			Sample (µ)	9.9999	
Reaction Time	10 min			Prozone limit	9.999			Sample (d)	-9.9999	
				Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method		
				Judge limit	9.999					
Analysis item										
Condition setting (M)				M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb (µ)	9.9999	
				M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb (µ)	-9.9999	
								IMA setting		
								Setting		
								Allowance		

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

COLESTEROL HDL DIRETO

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/250-080	80	800
100/250-240	240	2400

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	75.00	Sub Param. 46	1	up	down					
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting						
R2 volume	25.00	Name	HDL	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	571nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	*****							
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	STD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00									
Sample Vol (S)	1.00			M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	17	Reac. typ	Inc	
Sample Vol (U)	1.00	Qualit. Judgment set		M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	18	Reaction rate method		
		Real time correct form		M-DET.P.n	41			Cycle	2	
		Reanalysis conditions		Check D.P.I	0			Factor	2.0	
		Rerun conditions set		Limit value	0.003			E2 corre	Not do	
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting		Variance	10.0			blank (µ)	9.9999	
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting		*Prozone				blank (d)	-9.9999	
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting		Prozone form	None			Sample (µ)	9.9999	
Reaction Time	10 min			Prozone limit	9.999			Sample (d)	-9.9999	
				Prozone judge	Upper limit					
				Judge limit	9.999			*Endpoint method		
Analysis item										
Condition setting (M)				M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb (µ)	9.9999	
				M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb (µ)	-9.9999	
								IMA setting		
								Setting		
								Allowance		

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

CREATININA AUTOMAÇÃO MONOREAGENTE

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/300-250	250	2500

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	100.00	Sub Param. 46	1	up	down					
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting						
R2 volume	0.00	Name	CREA	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	505nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	571nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00									
Sample Vol (S)	10.00			M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc	
Sample Vol (U)	10.00	Qualit. Judgment set		M-DET.P.m	7	S-DET.P.r	0	Reaction rate method		
		Real time correct form -0,25		M-DET.P.n	17			Cycle	2	
		Reanalysis conditions		Check D.P.I	0			Factor	2.0	
		Rerun conditions set		Limit value	0.003			E2 corre	Not do	
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting		Variance	10.0			blank (µ)	9.9999	
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting		*Prozone				blank (d)	-9.9999	
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting		Prozone form	None			Sample (µ)	9.9999	
Reaction Time	10 min			Prozone limit	9.999			Sample (d)	-9.9999	
				Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method		
				Judge limit	9.999			Re. absorb (µ)	9.9999	
Analysis item				M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb (µ)	-9.9999	
Condition setting (M)				M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0			
								IMA setting		
								Setting		
								Allowance		

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

CREATININA AUTOMAÇÃO BIREAGENTE

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/300-250	250	2500

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	80.00	Sub Param. 46	1	up	down					
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting						
R2 volume	20.00	Name	CREA	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	505nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	571nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00									
Sample Vol (S)	10.00			M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc	
Sample Vol (U)	10.00	Qualit. Judgment set		M-DET.P.m	27	S-DET.P.r	0	Reaction rate method		
		Real time correct form -0,25		M-DET.P.n	37			Cycle	2	
		Reanalysis conditions		Check D.P.I	0			Factor	2.0	
		Rerun conditions set		Limit value	0.003			E2 corre	Not do	
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting		Variance	10.0			blank(μ)	9.9999	
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting		*Prozone				blank(d)	-9.9999	
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting		Prozone form	None			Sample(μ)	9.9999	
Reaction Time	10 min			Prozone limit	9.999			Sample(d)	-9.9999	
				Prozone judge	Upper limit					
				Judge limit	9.999			*Endpoint method		
Analysis item				M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(μ)	9.9999	
Condition setting (M)				M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb(μ)	-9.9999	
								IMA setting		
								Setting		
								Allowance		

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

FERRITINA

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/170-050	50	500

Multi-Standards setting									
Formula	Linear correction		BLANK: passes		Axis conv.	No convert.		Points	5
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions											
R1 volume	80.00	Sub Param. 1 up down									
R2e volume	20.00	Sub -anali-conditions			Standards setting						
R2 volume	0.00	Name	FR	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting	
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare	
R1 Extra vol		M-wave.L.	658nm								
R2e Extra vol		S-wave.L.	-								
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA								
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD								
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do								
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting									
Sample Vol (S)	10.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc				
Sample Vol (U)	0.00	Qualit. Judgment set	M-DET.P.m	21	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		Real time correct form	M-DET.P.n	42	Cycle						3
		Reanalysis conditions	Check D.P.I	0	Factor						3.0
		Rerun conditions set	Limit value	0.003	E2 corre						Not do
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting	Variance	10.0	blank(μ)						9.9999
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting	*Prozone								
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting	Prozone form	None	blank(d)						-9.9999
Reaction Time	10 min		Prozone limit	9.999	Sample(μ)						9.9999
			Prozone judge	Upper limit	Sample(d)						-9.9999
			Judge limit	9.999	*Endpoint method						
Analysis item			M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(μ)	9.9999			
Condition setting (M)			M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb(μ)	-9.9999			
			IMA setting								
			Setting								
			Allowance								

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

FERRO CROMAZUROL B

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/330-050	50	500

Multi-Standards setting									
Formula	Linear correction		BLANK:passes		Axis conv.	No convert.		Points	
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	5.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	5.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	5.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions										
R1 volume	100.00	Sub Param.46			1	up	down			
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions			Standards setting					
R2 volume	0.00	Name	FE	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	505nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	658nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	5.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	5.00	Qualit. Judgment set	M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	0	Reaction rate method			
		Real time correct form	M-DET.P.n	41			Cycle	2		
		Reanalysis conditions	Check D.P.I	0			Factor	2.0		
		Rerun conditions set	Limit value	0.003			E2 corre	Not do		
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting	Variance	10.0			blank(μ)	9.9999		
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting	*Prozone				blank(d)	-9.9999		
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting	Prozone form	None			Sample(μ)	9.9999		
Reaction Time	10 min		Prozone limit	9.999			Sample(d)	-9.9999		
			Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method			
			Judge limit	9.999						
Analysis item			M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(μ)	9.9999		
Condition setting (M)			M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb(μ)	-9.9999		
			IMA setting							
			Setting							
			Allowance							

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

FOSFATASE ALCALINA CINÉTICA

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/360-100	100	1000

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	2.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	2.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	2.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analitical Conditions

R1 volume	80.00	Sub Param. 46	1	up	down					
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting						
R2 volume	20.00	Name	FAL	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	0			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	410nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	2.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	2.00	M-DET.P.m	25	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		M-DET.P.n	36			Cycle	2			
		Check D.P.I	0			Factor	2.0			
		Limit value	0.003			E2 corre	Not do			
Reagent 1 stir	Weak	Variance	10.0			blank(µ)	9.9999			
Reagent 2e stir	Weak	*Prozone				blank(d)	-9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Prozone form	None			Sample(µ)	9.9999			
Reaction Time	10 min	Prozone limit	9.999			Sample(d)	-9.9999			
		Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method				
		Judge limit	9.999			Re. absorb(µ)	9.9999			
Analysis item		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(µ)	-9.9999			
Condition setting (M)		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0					
		IMA setting				Setting				
						Allowance				

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

FÓSFORO UV

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/380-200	200	2000

Multi-Standards setting									
Formula	Linear correction		BLANK:passes		Axis conv.	No convert.		Points	3
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions											
R1 volume	100.00	Sub Param.46			1	up	down				
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions			Standards setting						
R2 volume	0.00	Name	FOSF	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting	
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare	
R1 Extra vol		M-wave.L.	340nm								
R2e Extra vol		S-wave.L.	658nm								
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA								
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD								
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do								
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting									
Sample Vol (S)	1.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc				
Sample Vol (U)	1.00	Qualit. Judgment set	M-DET.P.m	18	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		Real time correct form	M-DET.P.n	19	Cycle						2
		Reanalysis conditions	Check D.P.I	0	Factor						2.0
		Rerun conditions set	Limit value	0.003	E2 corre						Not do
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting	Variance	10.0	blank (µ)						9.9999
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting	*Prozone								
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting	Prozone form	None	blank (d)						-9.9999
Reaction Time	10 min		Prozone limit	9.999	Sample (µ)						9.9999
			Prozone judge	Upper limit	Sample (d)						-9.9999
			Judge limit	9.999	*Endpoint method						
Analysis item											
Condition setting (M)		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb (µ)	9.9999				
		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb (µ)	-9.9999				
		IMA setting									
		Setting									
		Allowance									

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

FR TURBIDIMÉTRICO

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/160-050	50	400
100/160-100	100	800

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	5			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	100.00	Sub Param.	1	up	down						
R2e volume	25.00	Sub -anali-conditions		Standards setting							
R2 volume	0.00	Name	FR	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting	
R1 Extra vol		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare	
R2e Extra vol		M-wave.L.	658nm								
R2 Extra vol		S-wave.L.	-								
		Anal.mthd	RRA								
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD								
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do								
R2 diluent vol	0.00										
Sample Vol (S)	1.00	Qualit. Judgment set		Calculation method setting		M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc
Sample Vol (U)	0.00	Real time correct form		M-DET.P.m	21	S-DET.P.r	0	Reaction rate method			
		Reanalysis conditions		M-DET.P.n	42			Cycle	3		
		Rerun conditions set		Check D.P.I	0			Factor	3.0		
		Mark setting		Limit value	0.003			E2 corre	Not do		
Reagent 1 stir	Weak	Normal Value setting		Variance	10.0			blank(μ)	9.9999		
Reagent 2e stir	Weak	Abnormal Value setting		*Prozone				blank(d)	-9.9999		
Reagent 2 stir	Weak			Prozone form	None			Sample(μ)	9.9999		
Reaction Time	10 min			Prozone limit	9.999			Sample(d)	-9.9999		
				Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method			
				Judge limit	9.999						
Analysis item											
Condition setting (M)				M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(μ)	9.9999		
				M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb(μ)	-9.9999		
								IMA setting			
								Setting			
								Allowance			

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

FRUTOSAMINA

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/390-100	100	1250

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp Volume	Dilution Method	Dil. Smp Volume	Diluent Volume	Diluent position	Diluent volume	STD-H	STD-L	
BLK	0.0	4.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	4.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	4.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	80.00	Sub Param.46	1	up	down						
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting							
R2 volume	0.00	Name	FRUT	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting	
		Digits	2			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare	
R1 Extra vol		M-wave.L.	545nm								
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm								
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA								
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	STD								
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do								
R2 diluent vol	0.00										
Sample Vol (S)	4.00			Calculation method setting		M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	29	Reac. typ	Inc
Sample Vol (U)	4.00	Qualit. Judgment set		M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	30	Reaction rate method			
		Real time correct form		M-DET.P.n	41			Cycle	2		
		Reanalysis conditions		Check D.P.I	0			Factor	2.0		
		Rerun conditions set		Limit value	0.003			E2 corre	Not do		
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting		Variance	10.0			blank(µ)	9.9999		
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting		*Prozone		Prozone form	None	blank(d)	-9.9999		
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting		Prozone limit	9.999	Prozone judge	Upper limit	Sample(µ)	9.9999		
Reaction Time	10 min			Judge limit	9.999			Sample(d)	-9.9999		
								*Endpoint method			
Analysis item				M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(µ)	9.9999		
Condition setting (M)				M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb(µ)	-9.9999		
								IMA setting			
								Setting			
								Allowance			

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

GAMA GT

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/400-100	100	1000

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	80.00	Sub Param. 46	1	up	down					
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting						
R2 volume	20.00	Name	GGT	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	410nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	10.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	10.00	M-DET.P.m	25	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		M-DET.P.n	36			Cycle	2			
		Check D.P.I	0			Factor	2.0			
		Limit value	0.003			E2 corre	Not do			
Reagent 1 stir	Weak	Variance	10.0			blank(μ)	9.9999			
Reagent 2e stir	Weak	*Prozone				blank(d)	-9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Prozone form	None			Sample(μ)	9.9999			
Reaction Time	10 min	Prozone limit	9.999			Sample(d)	-9.9999			
		Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method				
		Judge limit	9.999			Re. absorb(μ)	9.9999			
Analysis item		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(μ)	-9.9999			
Condition setting (M)		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0					
		IMA setting				Setting				
						Allowance				

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

GLICOSE ENZIMÁTICA

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/410-500	500	4310
100/410-1000	1000	8620

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK:passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp Volume	Dilution Method	Dil. Smp Volume	Diluent Volume	Diluent position	Diluent volume	STD-H	STD-L	
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	100.00	Sub Param.46	1	up	down
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions			
R2 volume	0.00	Name	GLI	FV	#
R1 Extra vol		Digits	1	BLK-L	-9.9999
R2e Extra vol		M-wave.L.	505nm	STD H	9.9999
R2 Extra vol		S-wave.L.	658nm	BLK-H	9.9999
R1 diluent vol	0.00	Anal.mthd	EPA	STD H	-9.9999
R2e diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD	Multi-STD Setting	
R2 diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do	Error Judge rare	
Sample Vol (S)	1.00	Standards setting			
Sample Vol (U)	1.00	Calculation method setting			
Reagent 1 stir	Weak	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	2
Reagent 2e stir	Weak	M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	3
Reagent 2 stir	Weak	M-DET.P.n	41	Reac. typ	Inc
Reaction Time	10 min	Check D.P.I	0	Reaction rate method	
		Limit value	0.003	Cycle	2
		Variance	10.0	Factor	2.0
		*Prozone		E2 corre	Not do
		Prozone form	None	blank(μ)	9.9999
		Prozone limit	9.999	blank(d)	-9.9999
		Prozone judge	Upper limit	Sample(μ)	9.9999
		Judge limit	9.999	Sample(d)	-9.9999
				*Endpoint method	
		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0
		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0
				Re. absorb(μ)	9.9999
				Re. absorb(μ)	-9.9999
				IMA setting	
				Setting	
				Allowance	

Analysis item

Condition setting (M)

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

GOT CINÉTICO

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/420-100	100	1000

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	80.00	Sub Param. 46	1	up	down					
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting						
R2 volume	20.00	Name	GOT	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	0			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	340nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	10.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Dec			
Sample Vol (U)	10.00	M-DET.P.m	25	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		M-DET.P.n	36			Cycle	2			
		Check D.P.I	0			Factor	2.0			
		Limit value	0.003			E2 corre	Not do			
Reagent 1 stir	Weak	Variance	10.0			blank(µ)	9.9999			
Reagent 2e stir	Weak	*Prozone				blank(d)	-9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Prozone form	None			Sample(µ)	9.9999			
Reaction Time	10 min	Prozone limit	9.999			Sample(d)	-9.9999			
		Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method				
		Judge limit	9.999			Re. absorb(µ)	9.9999			
Analysis item		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(µ)	-9.9999			
Condition setting (M)		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0					
						IMA setting				
						Setting				
						Allowance				

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

GPT CINÉTICO

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/430-100	100	1000

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	80.00	Sub Param. 46	1	up	down					
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting						
R2 volume	20.00	Name	GPT	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	0			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	340nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00									
Sample Vol (S)	10.00			M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Dec	
Sample Vol (U)	10.00	Qualit. Judgment set		M-DET.P.m	25	S-DET.P.r	0	Reaction rate method		
		Real time correct form		M-DET.P.n	36			Cycle	2	
		Reanalysis conditions		Check D.P.I	0			Factor	2.0	
		Rerun conditions set		Limit value	0.003			E2 corre	Not do	
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting		Variance	10.0			blank(μ)	9.9999	
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting		*Prozone				blank(d)	-9.9999	
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting		Prozone form	None			Sample(μ)	9.9999	
Reaction Time	10 min			Prozone limit	9.999			Sample(d)	-9.9999	
				Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method		
				Judge limit	9.999					
Analysis item										
Condition setting (M)				M-DET.P.m	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(μ)	9.9999	
				M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb(μ)	-9.9999	
								IMA setting		
								Setting		
								Allowance		

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

LACTATO ENZIMÁTICO COLORIMÉTRICO

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/460-100	100	1000

Multi-Standards setting										
Formula	Linear correction		BLANK:passes		Axis conv.		No convert.		Points	3
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L		
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume				
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	

Analytical Conditions										
R1 volume	100.00	Sub Param.46		1	up	down				
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting						
R2 volume	0.00	Name	LAC	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	545nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00			Calculation method setting						
Sample Vol (S)	1.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	1.00	Qualit. Judgment set	M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	0	Reaction rate method			
		Real time correct form	M-DET.P.n	41			Cycle	2		
		Reanalysis conditions	Check D.P.I	0			Factor	2.0		
		Rerun conditions set	Limit value	0.003			E2 corre	Not do		
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting	Variance	10.0			blank(μ)	9.9999		
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting	*Prozone			blank(d)	-9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting	Prozone form	None			Sample(μ)	9.9999		
Reaction Time	10 min		Prozone limit	9.999			Sample(d)	-9.9999		
			Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method			
			Judge limit	9.999			Re. absorb(μ)	9.9999		
Analysis item			M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(μ)	-9.9999		
Condition setting (M)			M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0				
							IMA setting			
							Setting			
							Allowance			

PREPARO DO REAGENTE DE USO: ADICIONAR 9 PARTES DO R1 TAMPÃO A 1 PARTE DO R2 SUBSTRATO.

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

LDH CINÉTICO

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/470-100	100	1000

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	2.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	2.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	2.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	80.00	Sub Param. 46	1	up	down					
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting						
R2 volume	20.00	Name	LDH	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	0			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	340nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	2.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Dec			
Sample Vol (U)	2.00	M-DET.P.m	25	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		M-DET.P.n	36			Cycle	2			
		Check D.P.I	0			Factor	2.0			
		Limit value	0.003			E2 corre	Not do			
Reagent 1 stir	Weak	Variance	10.0			blank(µ)	9.9999			
Reagent 2e stir	Weak	*Prozone				blank(d)	-9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Prozone form	None			Sample(µ)	9.9999			
Reaction Time	10 min	Prozone limit	9.999			Sample(d)	-9.9999			
		Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method				
		Judge limit	9.999			Re. absorb(µ)	9.9999			
Analysis item		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(µ)	-9.9999			
Condition setting (M)		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0					
						IMA setting				
						Setting				
						Allowance				

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

MAGNÉSIO

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/500-100	100	1000

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp Volume	Dilution Method	Dil. Smp Volume	Diluent Volume	Diluent position	Diluent volume	STD-H	STD-L	
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	100.00	Sub Param.46	1	up	down			
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions						
R2 volume	0.00	Name	MAG	FV	≠			
R1 Extra vol		Digits	2	BLK-L	-9.9999			
R2e Extra vol		M-wave.L.	505nm	STD H	9.9999			
R2 Extra vol		S-wave.L.	*****	BLK-H	9.9999			
R1 diluent vol	0.00	Anal.mthd	EPA	STD H	-9.9999			
R2e diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD	Multi-STD Setting				
R2 diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do	Error Judge rare				
Sample Vol (S)	1.00	Standards setting						
Sample Vol (U)	1.00	Calculation method setting						
Reagent 1 stir	Weak	Qualit. Judgment set	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc
Reagent 2e stir	Weak	Real time correct form	M-DET.P.m	18	S-DET.P.r	0	Reaction rate method	
Reagent 2 stir	Weak	Reanalysis conditions	M-DET.P.n	19			Cycle	2
Reaction Time	10 min	Rerun conditions set	Check D.P.I	0			Factor	2.0
Condition setting (M)		Mark setting	Limit value	0.003			E2 corre	Not do
		Normal Value setting	Variance	10.0			blank(μ)	9.9999
		Abnormal Value setting	*Prozone				blank(d)	-9.9999
			Prozone form	None			Sample(μ)	9.9999
			Prozone limit	9.999			Sample(d)	-9.9999
			Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method	
			Judge limit	9.999			Re. absorb(μ)	9.9999
							Re. absorb(μ)	-9.9999
							IMA setting	
							Setting	
							Allowance	

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

PCR TURBIDIMÉTRICO

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
700/220-050	50	400
700/220-100	100	800

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	100.00	Sub Param.	1	up	down					
R2e volume	25.00	Sub -anali-conditions		Standards setting						
R2 volume	0.00	Name	PCR	FV	≠	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
R1 Extra vol		Digits	1	BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare		
R2e Extra vol		M-wave.L.	546nm							
R2 Extra vol		S-wave.L.	-							
R1 diluent vol	0.00	Anal.mthd	RRA							
R2e diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2 diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
Sample Vol (S)	1.00	Calculation method setting		M-DET.P.p	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc	
Sample Vol (U)	0.00	Qualit. Judgment set		M-DET.P.m	21	S-DET.P.r	0	Reaction rate method		
		Real time correct form		M-DET.P.n	42	Cycle	3			
		Reanalysis conditions		Check D.P.I	0	Factor	3.0			
		Rerun conditions set		Limit value	0.003	E2 corre	Not do			
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting		Variance	10.0	blank (µ)	9.9999			
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting		*Prozone		blank (d)	-9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting		Prozone form	None	Sample (µ)	9.9999			
Reaction Time	10 min	Prozone limit	9.999	Prozone judge	Upper limit	Sample (d)	-9.9999			
		Judge limit	9.999	*Endpoint method						
Analysis item		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb (µ)	9.9999			
Condition setting (M)		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb (µ)	-9.9999			
		IMA setting								
		Setting								
		Allowance								

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

PROTEÍNAS TOTAIS

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/530-250	250	2500

Multi-Standards setting									
Formula	Linear correction		BLANK:passes		Axis conv.	No convert.		Points	3
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions										
R1 volume	100.00	Sub Param.46			1	up	down			
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions				Standards setting				
R2 volume	0.00	Name	PROT	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	545nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	1.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	1.00	Qualit. Judgment set	M-DET.P.m	18	S-DET.P.r	0	Reaction rate method			
		Real time correct form	M-DET.P.n	19			Cycle	2		
		Reanalysis conditions	Check D.P.I	0			Factor	2.0		
		Rerun conditions set	Limit value	0.003			E2 corre	Not do		
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting	Variance	10.0			blank(μ)	9.9999		
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting	*Prozone				blank(d)	-9.9999		
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting	Prozone form	None			Sample(μ)	9.9999		
Reaction Time	10 min		Prozone limit	9.999			Sample(d)	-9.9999		
			Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method			
			Judge limit	9.999						
Analysis item			M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(μ)	9.9999		
Condition setting (M)			M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb(μ)	-9.9999		
			IMA setting							
			Setting							
			Allowance							

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

PROTEÍNA URINÁRIA

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/540-100	100	1000

Multi-Standards setting										
Formula		BLANK:		Axis conv.		Points				
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L		
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume				
BLK										
1										
2										
Analytical Conditions										
R1 volume	100.00	Sub Param.46			1	up	down			
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions			Standards setting					
R2 volume	0.00	Name	PURI	FV	≠	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	596nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	658nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	STD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	2.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	2.00	Qualit. Judgment set	M-DET.P.m	18	S-DET.P.r	0	Reaction rate method			
		Real time correct form	M-DET.P.n	19			Cycle	2		
		Reanalysis conditions	Check D.P.I	0			Factor	2.0		
		Rerun conditions set	Limit value	0.003			E2 corre	Not do		
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting	Variance	10.0			blank(μ)	9.9999		
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting	*Prozone				blank(d)	-9.9999		
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting	Prozone form	None			Sample(μ)	9.9999		
Reaction Time	10 min		Prozone limit	9.999			Sample(d)	-9.9999		
			Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method			
			Judge limit	9.999						
Analysis item			M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(μ)	9.9999		
Condition setting (M)			M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb(μ)	-9.9999		
			IMA setting							
			Setting							
			Allowance							

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

TRIGLICÉRIDES ENZIMÁTICO

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/610-100	100	1000
100/610-200	200	2000
100/610-500	500	5000

Multi-Standards setting										
Formula	Linear correction		BLANK:passes		Axis conv.		No convert.		Points	3
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L		
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume				
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	

Analytical Conditions											
R1 volume	100.00	Sub Param.46			1	up	down				
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions				Standards setting					
R2 volume	0.00	Name	TRI	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting	
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare	
R1 Extra vol		M-wave.L.	505nm								
R2e Extra vol		S-wave.L.	658nm								
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA								
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD								
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do								
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting									
Sample Vol (S)	1.00	M-DET.P.l	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc				
Sample Vol (U)	1.00	M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	0	Reaction rate method					
		M-DET.P.n	41				Cycle	2			
		Check D.P.I	0				Factor	2.0			
		Limit value	0.003				E2 corre	Not do			
		Variance	10.0				blank(μ)	9.9999			
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting				*Prozone					
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting				Prozone form	None	blank(d)	-9.9999		
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting				Prozone limit	9.999	Sample(μ)	9.9999		
Reaction Time	10 min					Prozone judge	Upper limit	Sample(d)	-9.9999		
						Judge limit	9.999	*Endpoint method			
Analysis item											
Condition setting (M)			M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(μ)	9.9999			
			M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb(μ)	-9.9999			
							IMA setting				
							Setting				
							Allowance				

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

URÉIA UV

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/630-200	200	2000

Multi-Standards setting										
Formula	Linear correction		BLANK: passes		Axis conv.		No convert.		Points	3
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L		
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume				
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	

Analytical Conditions										
R1 volume	80.00	Sub Param. 46		1	up	down				
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting						
R2 volume	20.00	Name	URE	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	340nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00			Calculation method setting						
Sample Vol (S)	1.00			M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Dec	
Sample Vol (U)	1.00	Qualit. Judgment set		M-DET.P.m	25	S-DET.P.r	0	Reaction rate method		
		Real time correct form		M-DET.P.n	34			Cycle	2	
		Reanalysis conditions		Check D.P.I	0			Factor	2.0	
		Rerun conditions set		Limit value	0.003			E2 corre	Not do	
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting		Variance	10.0			blank(µ)	9.9999	
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting		*Prozone				blank(d)	-9.9999	
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting		Prozone form	None			Sample(µ)	9.9999	
Reaction Time	10 min			Prozone limit	9.999			Sample(d)	-9.9999	
				Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method		
				Judge limit	9.999			Re. absorb(µ)	9.9999	
Analysis item										
Condition setting (M)			M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(µ)	9.9999		
			M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb(µ)	-9.9999		
			IMA setting							
			Setting							
			Allowance							

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverão ser validados pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.