

ÁCIDO ÚRICO ENZIMÁTICO

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/100-100	100	1000
100/100-200	200	2000

Multi-Standards setting										
Formula	Linear correction		BLANK: passes		Axis conv.	No convert.		Points	3	
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L		
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume				
BLK	0.0	2.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
1	@	2.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
2	@	2.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
Analytical Conditions										
R1 volume	100.00	Sub Param.		1	up	down				
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions			Standards setting					
R2 volume	0.00	Name	ACUR	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	2			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	505nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	658nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	2.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	17	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	2.00	M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	18	Reaction rate method				
		M-DET.P.n	41			Cycle	2			
		Check D.P.I	0			Factor	2.0			
		Limit value	0.003			E2 corre	Not do			
		Variance	10.0			blank (µ)	9.9999			
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting		*Prozone						
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting		Prozone form	None	blank (d)	-9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting		Prozone limit	9.999	Sample (µ)	9.9999			
Reaction Time	10 min			Prozone judge	Upper limit	Sample (d)	-9.9999			
				Judge limit	9.999	*Endpoint method				
Analysis item										
Condition setting (M)	M-DET.Pm		0	S-DET.P.p	0	Re. absorb (µ)	9.9999			
	M-DET.P.n		0	S-DET.P.r	0	Re. absorb (µ)	-9.9999			
						IMA setting				
						Setting				
						Allowance				

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

ALBUMINA

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/110-200	200	1000

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	200.00	Sub Param. 46	1	up	down
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions			
R2 volume	0.00	Name	ALB	FV	#
		Digits	1	BLK-L	-9.9999
R1 Extra vol		M-wave.L.	596nm	STD H	9.9999
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm	BLK-H	9.9999
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA	STD H	-9.9999
					Multi-STD Setting
					Error Judge rare
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD		
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do		
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting			
Sample Vol (S)	1.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0
Sample Vol (U)	1.00	M-DET.P.m	18	S-DET.P.r	0
		M-DET.P.n	19	Reac. typ	Inc
		Check D.P.I	0	Reaction rate method	
		Limit value	0.003	Cycle	2
Reagent 1 stir	Weak	Variance	10.0	Factor	2.0
Reagent 2e stir	Weak	*Prozone		E2 corre	Not do
Reagent 2 stir	Weak	Prozone form	None	blank(μ)	9.9999
Reaction Time	10 min	Prozone limit	9.999	blank(d)	-9.9999
		Prozone judge	Upper limit	Sample(μ)	9.9999
		Judge limit	9.999	Sample(d)	-9.9999
				*Endpoint method	
Analysis item		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0
Condition setting (M)		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0
				Re. absorb(μ)	9.9999
				Re. absorb(μ)	-9.9999
				IMA setting	
				Setting	
				Allowance	

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

α-AMILASE

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/130-060	060	600

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	100.00	Sub Param. 46	1	up	down
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions			
R2 volume	0.00	Name	AMI	FV	#
		Digits	1	BLK-L	-9.9999
R1 Extra vol		M-wave.L.	410nm	STD H	9.9999
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm	BLK-H	9.9999
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA	STD H	-9.9999
					Multi-STD Setting
					Error Judge rare
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD		
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do		
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting			
Sample Vol (S)	1.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0
Sample Vol (U)	1.00	M-DET.P.m	14	S-DET.P.r	0
		M-DET.P.n	23	Reaction rate method	
		Check D.P.I	0	Cycle	2
		Limit value	0.003	Factor	2.0
		Variance	10.0	E2 corre	Not do
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting			
Reagent 2e stir	Weak	*Prozone			
Reagent 2 stir	Weak	Prozone form	None	blank(μ)	9.9999
Reaction Time	10 min	Prozone limit	9.999	blank(d)	-9.9999
		Prozone judge	Upper limit	Sample(μ)	9.9999
		Judge limit	9.999	Sample(d)	-9.9999
				*Endpoint method	
Analysis item		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0
Condition setting (M)		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0
				Re. absorb(μ)	9.9999
				Re. absorb(μ)	-9.9999
				IMA setting	
				Setting	
				Allowance	

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

BILIRRUBINA DMSO FRAÇÃO DIRETA

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/150-100	100	1000

Multi-Standards setting									
Formula	Linear correction		BLANK:passes		Axis conv.	No convert.		Points	3
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	5.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	5.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	5.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions												
R1 volume	100.00	Sub Param.46		1	up	down						
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions										
R2 volume	3.00	Standards setting		Name	BDIR	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	2	BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare				
R1 Extra vol		M-wave.L.	545nm									
R2e Extra vol		S-wave.L.	658nm									
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA									
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD									
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do									
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting										
Sample Vol (S)	5.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	17	Reac. typ	Inc					
Sample Vol (U)	5.00	M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	18	Reaction rate method						
		M-DET.P.n	41			Cycle	2					
		Check D.P.I	0			Factor	2.0					
		Limit value	0.003			E2 corre	Not do					
		Variance	10.0			blank(μ)	9.9999					
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting		*Prozone		blank(d)	-9.9999					
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting		Prozone form	None	Sample(μ)	9.9999					
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting		Prozone limit	9.999	Sample(d)	-9.9999					
Reaction Time	10 min	Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method						
		Judge limit	9.999			Re.absorb(μ)	9.9999					
Analysis item		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re.absorb(μ)	-9.9999					
Condition setting (M)		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0							
		IMA setting										
		Setting										
		Allowance										

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

BILIRRUBINA DMSO FRAÇÃO TOTAL

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/160-100	100	1000

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK:passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	5.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	5.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	5.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	100.00	Sub Param.46	1	up	down
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions			
R2 volume	3.00	Name	BTOT	FV	#
		Digits	2	BLK-L	-9.9999
R1 Extra vol		M-wave.L.	545nm	STD H	9.9999
R2e Extra vol		S-wave.L.	*****	BLK-H	9.9999
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA	STD H	-9.9999
					Multi-STD Setting
					Error Judge rare
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD		
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do		
R2 diluent vol	0.00				
Sample Vol (S)	5.00			Calculation method setting	
Sample Vol (U)	5.00	Qualit. Judgment set	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p
		Real time correct form	M-DET.P.m	40	S-DET.P.r
		Reanalysis conditions	M-DET.P.n	41	17
		Rerun conditions set	Check D.P.I	0	18
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting	Limit value	0.003	Reac. typ
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting	Variance	10.0	Inc
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting	*Prozone		Reaction rate method
Reaction Time	10 min		Prozone form	None	Cycle
			Prozone limit	9.999	2
			Prozone judge	Upper limit	Factor
			Judge limit	9.999	2.0
					E2 corre
					Not do
					blank(μ)
					9.9999
					blank(d)
					-9.9999
					Sample(μ)
					9.9999
					Sample(d)
					-9.9999
					*Endpoint method
Analysis item					
Condition setting (M)			M-DET.Pm	0	S-DET.P.p
			M-DET.P.n	0	S-DET.P.r
				0	0
				0	0
					Re. absorb(μ)
					9.9999
					Re. absorb(μ)
					-9.9999
					IMA setting
					Setting
					Allowance

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

CÁLCIO ARSENAZO

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/190-100	100	1000

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	100.00	Sub Param. 46	1	up	down					
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions								
R2 volume	0.00	Standards setting								
		Name	CAL	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	2			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	658nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	*****							
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00									
Sample Vol (S)	1.00									
Sample Vol (U)	1.00									
		Calculation method setting								
		M-DET.P.l	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc			
		M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		M-DET.P.n	41			Cycle	2			
		Check D.P.I	0			Factor	2.0			
		Limit value	0.003			E2 corre	Not do			
		Variance	10.0			blank (µ)	9.9999			
		*Prozone								
		Prozone form	None			blank (d)	-9.9999			
		Prozone limit	9.999			Sample (µ)	9.9999			
		Prozone judge	Upper limit			Sample (d)	-9.9999			
		Judge limit	9.999			*Endpoint method				
						Re.absorb(µ)	9.9999			
						Re.absorb(µ)	-9.9999			
						IMA setting				
						Setting				
						Allowance				

Analysis item

Condition setting (M)

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

CK-MB

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/220-050	50	1250
100/2201-0	100	2500

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	3.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	3.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	3.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	64.00	Sub Param. 46	1	up	down
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions			
R2 volume	16.00	Name	CKMB	FV	#
		Digits	0	BLK-L	-9.9999
R1 Extra vol		M-wave.L.	340nm	STD H	9.9999
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm	BLK-H	9.9999
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA	STD H	-9.9999
					Multi-STD Setting
					Error Judge rare
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD		
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do		
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting			
Sample Vol (S)	3.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0
Sample Vol (U)	3.00	M-DET.P.m	28	S-DET.P.r	0
		M-DET.P.n	40	Reac. typ	Inc
		Check D.P.I	0	Reaction rate method	
		Limit value	0.003	Cycle	2
		Variance	10.0	Factor	2.0
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting			
Reagent 2e stir	Weak	*Prozone			
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting			
Reaction Time	10 min	Prozone form	None	blank(μ)	9.9999
		Prozone limit	9.999	blank(d)	-9.9999
		Prozone judge	Upper limit	Sample(μ)	9.9999
		Judge limit	9.999	Sample(d)	-9.9999
				*Endpoint method	
Analysis item		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0
Condition setting (M)		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0
				Re. absorb(μ)	9.9999
				Re. absorb(μ)	-9.9999
				IMA setting	
				Setting	
				Allowance	

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

CK-NAC

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/230-050	50	1250
100/230-100	100	2500

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.5	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.5	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.5	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	64.00	Sub Param. 46	1	up	down
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions			
R2 volume	16.00	Name	CKNAC	FV	#
		Digits	0	BLK-L	-9.9999
R1 Extra vol		M-wave.L.	340nm	STD H	9.9999
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm	BLK-H	9.9999
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA	STD H	-9.9999
					Multi-STD Setting
					Error Judge rare
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD		
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do		
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting			
Sample Vol (S)	1.50	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0
Sample Vol (U)	1.50	Qualit. Judgment set	M-DET.P.m	30	S-DET.P.r
		Real time correct form	M-DET.P.n	39	Reaction rate method
		Reanalysis conditions	Check D.P.I	0	Cycle
		Rerun conditions set	Limit value	0.003	Factor
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting	Variance	10.0	E2 corre
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting	*Prozone		blank(μ)
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting	Prozone form	None	blank(d)
Reaction Time	10 min		Prozone limit	9.999	Sample(μ)
			Prozone judge	Upper limit	9.9999
			Judge limit	9.999	Sample(d)
					*Endpoint method
Analysis item					
Condition setting (M)		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0
		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0
					Re. absorb(μ)
					9.9999
					Re. absorb(μ)
					-9.9999
					IMA setting
					Setting
					Allowance

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

COLESTEROL ENZIMÁTICO

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/280-200	200	2000
100/280-500	500	5000

Multi-Standards setting										
Formula	Linear correction		BLANK: passes		Axis conv.		No convert.		Points	3
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L		
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume				
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	

Analytical Conditions										
R1 volume	100.00	Sub Param. 46		1	up	down				
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions								
R2 volume	0.00	Standards setting								
		Name	COL	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	505nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	658nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	1.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	1.00	M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		M-DET.P.n	41			Cycle	2			
		Check D.P.I	0			Factor	2.0			
		Limit value	0.003			E2 corre	Not do			
		Variance	10.0			blank (µ)	9.9999			
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting		*Prozone		blank (d)	-9.9999			
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting		Prozone form	None	Sample (µ)	9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting		Prozone limit	9.999	Sample (d)	-9.9999			
Reaction Time	10 min	Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method				
		Judge limit	9.999			Re. absorb (µ)	9.9999			
Analysis item		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb (µ)	-9.9999			
Condition setting (M)		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0					
		IMA setting								
		Setting								
		Allowance								

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

COLESTEROL HDL DIRETO

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/250-080	80	800
100/250-240	240	2400

Multi-Standards setting									
Formula	Linear correction		BLANK: passes		Axis conv.	No convert.		Points	3
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions										
R1 volume	75.00	Sub Param. 46		1	up	down				
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting						
R2 volume	25.00	Name	HDL	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	571nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	*****							
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00			Calculation method setting						
Sample Vol (S)	1.00			M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc	
Sample Vol (U)	1.00	Qualit. Judgment set		M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	0	Reaction rate method		
		Real time correct form		M-DET.P.n	41					
		Reanalysis conditions		Check D.P.I	0					
		Rerun conditions set		Limit value	0.003					
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting		Variance	10.0					
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting		*Prozone						
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting		Prozone form	None					
Reaction Time	10 min			Prozone limit	9.999					
				Prozone judge	Upper limit					
				Judge limit	9.999					
Analysis item										
Condition setting (M)				M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(μ)	9.9999	
				M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb(μ)	-9.9999	
				IMA setting						
				Setting						
				Allowance						

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

CREATININA AUTOMAÇÃO MONOREAGENTE

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/300-250	250	2500

Multi-Standards setting										
Formula	Linear correction		BLANK: passes		Axis conv.	No convert.		Points	3	
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L		
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume				
BLK	0.0	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
1	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
2	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
Analytical Conditions										
R1 volume	100.00	Sub Param. 46		1	up	down				
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions			Standards setting					
R2 volume	0.00	Name	CREA	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	505nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	571nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	10.00	M-DET.P.l	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	10.00	M-DET.P.m	7	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		Qualit. Judgment set	M-DET.P.n	17		Cycle	2			
		Real time correct form -0,25	Check D.P.I	0		Factor	2.0			
		Reanalysis conditions	Limit value	0.003		E2 corre	Not do			
		Rerun conditions set	Variance	10.0		blank (µ)	9.9999			
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting			*Prozone	blank (d)	-9.9999			
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting			Prozone form	Sample (µ)	9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting			Prozone limit	Sample (d)	-9.9999			
Reaction Time	10 min	Prozone judge	Upper limit							
		Judge limit	9.999							
		*Endpoint method								
Analysis item		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb (µ)	9.9999			
Condition setting (M)		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb (µ)	-9.9999			
		IMA setting								
		Setting								
		Allowance								

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

CREATININA AUTOMAÇÃO BIREAGENTE

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/300-250	250	2500

Multi-Standards setting									
Formula	Linear correction		BLANK: passes		Axis conv.	No convert.		Points	3
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions										
R1 volume	80.00	Sub Param. 46		1	up	down				
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions								
R2 volume	20.00	Standards setting								
		Name	CREA	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	505nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	571nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	10.00	M-DET.P.l	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	10.00	M-DET.P.m	27	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		M-DET.P.n	37							
		Check D.P.I	0							
		Limit value	0.003							
		Variance	10.0							
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting								
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting								
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting								
Reaction Time	10 min	Prozone form	None							
		Prozone limit	9.999							
		Prozone judge	Upper limit							
		Judge limit	9.999							
		*Endpoint method								
		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(μ)	9.9999			
		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb(μ)	-9.9999			
		IMA setting								
		Setting								
		Allowance								

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

FERRO CROMAZUROL B

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/330-050	50	500

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK:passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	5.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	5.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	5.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	100.00	Sub Param.46	1	up	down
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions			
R2 volume	0.00	Name	FE	FV	#
		Digits	1	BLK-L	-9.9999
R1 Extra vol		M-wave.L.	505nm	STD H	9.9999
R2e Extra vol		S-wave.L.	658nm	BLK-H	9.9999
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA	STD H	-9.9999
					Multi-STD Setting
					Error Judge rare
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD		
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do		
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting			
Sample Vol (S)	5.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0
Sample Vol (U)	5.00	M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	0
		M-DET.P.n	41	Reaction rate method	
		Check D.P.I	0	Cycle	2
		Limit value	0.003	Factor	2.0
		Variance	10.0	E2 corre	Not do
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting			
Reagent 2e stir	Weak	*Prozone			
Reagent 2 stir	Weak	Prozone form	None	blank(μ)	9.9999
Reaction Time	10 min	Prozone limit	9.999	blank(d)	-9.9999
		Prozone judge	Upper limit	Sample(μ)	9.9999
		Judge limit	9.999	Sample(d)	-9.9999
				*Endpoint method	
Analysis item		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0
Condition setting (M)		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0
				Re. absorb(μ)	9.9999
				Re. absorb(μ)	-9.9999
				IMA setting	
				Setting	
				Allowance	

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

FOSFATASE ALCALINA CINÉTICA

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/360-100	100	1000

Multi-Standards setting									
Formula	Linear correction		BLANK: passes		Axis conv.	No convert.		Points	3
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	2.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	2.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	2.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions										
R1 volume	80.00	Sub Param. 46		1	up	down				
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions			Standards setting					
R2 volume	20.00	Name	FAL	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	0			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	410nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	2.00	M-DET.P.l	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	2.00	M-DET.P.m	25	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		M-DET.P.n	36			Cycle	2			
		Check D.P.I	0			Factor	2.0			
		Limit value	0.003			E2 corre	Not do			
		Variance	10.0			blank(μ)	9.9999			
Reagent 1 stir	Weak	Qualit. Judgment set		*Prozone		blank(d)	-9.9999			
Reagent 2e stir	Weak	Real time correct form		Prozone form	None	Sample(μ)	9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Reanalysis conditions		Prozone limit	9.999	Sample(d)	-9.9999			
Reaction Time	10 min	Rerun conditions set		Prozone judge	Upper limit					
		Mark setting		Judge limit	9.999	*Endpoint method				
		Normal Value setting		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re.absorb(μ)	9.9999	
		Abnormal Value setting		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re.absorb(μ)	-9.9999	
				IMA setting						
				Setting						
				Allowance						

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

FÓSFORO UV

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/380-200	200	2000

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK:passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	100.00	Sub Param.46	1	up	down
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions			
R2 volume	0.00	Name	FOSF	FV	#
		Digits	1	BLK-L	-9.9999
R1 Extra vol		M-wave.L.	340nm	STD H	9.9999
R2e Extra vol		S-wave.L.	658nm	BLK-H	9.9999
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA	STD H	-9.9999
					Multi-STD Setting
					Error Judge rare
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD		
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do		
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting			
Sample Vol (S)	1.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0
Sample Vol (U)	1.00	M-DET.P.m	18	S-DET.P.r	0
		M-DET.P.n	19	Reac. typ	Inc
		Check D.P.I	0	Reaction rate method	
		Limit value	0.003	Cycle	2
Reagent 1 stir	Weak	Variance	10.0	Factor	2.0
Reagent 2e stir	Weak	*Prozone		E2 corre	Not do
Reagent 2 stir	Weak	Prozone form	None	blank(μ)	9.9999
Reaction Time	10 min	Prozone limit	9.999	blank(d)	-9.9999
		Prozone judge	Upper limit	Sample(μ)	9.9999
		Judge limit	9.999	Sample(d)	-9.9999
				*Endpoint method	
Analysis item		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0
Condition setting (M)		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0
				Re. absorb(μ)	9.9999
				Re. absorb(μ)	-9.9999
				IMA setting	
				Setting	
				Allowance	

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

FRUTOSAMINA

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/390-100	100	1250

Multi-Standards setting										
Formula				BLANK:				Axis conv.		
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L		
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume				
BLK										
1										
2										
Analytical Conditions										
R1 volume	80.00	Sub Param.46			1	up	down			
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions			Standards setting					
R2 volume	0.00	Name	FRUT	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	2			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	545nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	STD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	4.00	M-DET.P.l	0	S-DET.P.p	29	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	4.00	M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	30	Reaction rate method				
		M-DET.P.n	41			Cycle	2			
		Check D.P.I	0			Factor	2.0			
		Limit value	0.003			E2 corre	Not do			
		Variance	10.0			blank(μ)	9.9999			
Reagent 1 stir	Weak	Qualit. Judgment set				blank(d)	-9.9999			
Reagent 2e stir	Weak	Real time correct form				Sample(μ)	9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Reanalysis conditions				Sample(d)	-9.9999			
Reaction Time	10 min	Rerun conditions set				*Endpoint method				
		Mark setting								
		Normal Value setting								
		Abnormal Value setting								
		Prozone form	None							
		Prozone limit	9.999							
		Prozone judge	Upper limit							
		Judge limit	9.999							
		M-DET.P.m	0	S-DET.P.p	0	Re.absorb(μ)	9.9999			
		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re.absorb(μ)	-9.9999			
Analysis item										
Condition setting (M)										
	IMA setting									
	Setting									
	Allowance									

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

GAMA GT

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/400-100	100	1000

Multi-Standards setting									
Formula	Linear correction		BLANK: passes		Axis conv.	No convert.		Points	3
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions										
R1 volume	80.00	Sub Param. 46			1	up	down			
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions				Standards setting				
R2 volume	20.00	Name	GGT	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	410nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	10.00	M-DET.P.l	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	10.00	M-DET.P.m	25	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		M-DET.P.n	36					Cycle	2	
		Check D.P.I	0					Factor	2.0	
		Limit value	0.003					E2 corre	Not do	
		Variance	10.0					blank (µ)	9.9999	
		Qualit. Judgment set		*Prozone						
		Real time correct form		Prozone form	None					
		Reanalysis conditions		Prozone limit	9.999					
		Rerun conditions set		Prozone judge	Upper limit					
		Mark setting		Judge limit	9.999					
		Normal Value setting		*Endpoint method						
		Abnormal Value setting		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re.absorb(µ)	9.9999	
				M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re.absorb(µ)	-9.9999	
				IMA setting						
				Setting						
				Allowance						

Analysis item
Condition setting (M)

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.
 ** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.
 @ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

GLICOSE ENZIMÁTICA

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/410-500	500	4310
100/410-1000	1000	8620

Multi-Standards setting										
Formula	Linear correction		BLANK:passes		Axis conv.	No convert.		Points	3	
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L		
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume				
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
Analytical Conditions										
R1 volume	100.00	Sub Param.46		1	up	down				
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions			Standards setting					
R2 volume	0.00	Name	GLI	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	505nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	658nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	1.00	M-DET.P.l	0	S-DET.P.p	2	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	1.00	M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	3	Reaction rate method				
		M-DET.P.n	41			Cycle	2			
		Check D.P.I	0			Factor	2.0			
		Limit value	0.003			E2 corre	Not do			
		Variance	10.0			blank(μ)	9.9999			
Reagent 1 stir	Weak	Qualit. Judgment set				blank(d)	-9.9999			
Reagent 2e stir	Weak	Real time correct form				Sample(μ)	9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Reanalysis conditions				Sample(d)	-9.9999			
Reaction Time	10 min	Rerun conditions set				*Endpoint method				
		Mark setting								
		Normal Value setting								
		Abnormal Value setting								
		Prozone form	None							
		Prozone limit	9.999							
		Prozone judge	Upper limit							
		Judge limit	9.999							
Analysis item										
Condition setting (M)			M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re.absorb(μ)	9.9999		
			M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re.absorb(μ)	-9.9999		
			IMA setting							
			Setting							
			Allowance							

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

GOT CINÉTICO

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/420-100	100	1000

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	80.00	Sub Param. 46	1	up	down					
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions								
R2 volume	20.00	Standards setting								
		Name	GOT	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	0			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	340nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	10.00	M-DET.P.l	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Dec			
Sample Vol (U)	10.00	M-DET.P.m	25	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		M-DET.P.n	36			Cycle	2			
		Check D.P.I	0			Factor	2.0			
		Limit value	0.003			E2 corre	Not do			
Reagent 1 stir	Weak	Variance	10.0			blank (µ)	9.9999			
Reagent 2e stir	Weak	*Prozone				blank (d)	-9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Prozone form	None			Sample (µ)	9.9999			
Reaction Time	10 min	Prozone limit	9.999			Sample (d)	-9.9999			
		Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method				
		Judge limit	9.999			Re.absorb(µ)	9.9999			
Analysis item		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re.absorb(µ)	-9.9999			
Condition setting (M)		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	IMA setting				
						Setting				
						Allowance				

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

GPT CINÉTICO

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/430-100	100	1000

Multi-Standards setting									
Formula	Linear correction		BLANK: passes		Axis conv.	No convert.		Points	3
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	10.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions										
R1 volume	80.00	Sub Param. 46			1	up	down			
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions					Standards setting			
R2 volume	20.00	Name	GPT	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	0			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	340nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	10.00	M-DET.P.l	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Dec			
Sample Vol (U)	10.00	M-DET.P.m	25	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		M-DET.P.n	36			Cycle	2			
		Check D.P.I	0			Factor	2.0			
		Limit value	0.003			E2 corre	Not do			
Reagent 1 stir	Weak	Variance	10.0			blank (µ)	9.9999			
Reagent 2e stir	Weak	*Prozone				blank (d)	-9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Prozone form	None			Sample (µ)	9.9999			
Reaction Time	10 min	Prozone limit	9.999			Sample (d)	-9.9999			
		Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method				
		Judge limit	9.999			Re.absorb(µ)	9.9999			
Analysis item		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re.absorb(µ)	-9.9999			
Condition setting (M)		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0					
							IMA setting			
							Setting			
							Allowance			

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

LACTATO ENZIMÁTICO COLORIMÉTRICO

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/460-100	100	1000

Multi-Standards setting										
Formula	Linear correction		BLANK:passes		Axis conv.	No convert.		Points	3	
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L		
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume				
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
Analytical Conditions										
R1 volume	100.00	Sub Param.46		1	up	down				
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting						
R2 volume	0.00	Name	LAC	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	545nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	1.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	1.00	M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		M-DET.P.n	41			Cycle	2			
		Check D.P.I	0			Factor	2.0			
		Limit value	0.003			E2 corre	Not do			
		Variance	10.0			blank (µ)	9.9999			
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting				blank (d)	-9.9999			
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting				Sample (µ)	9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting				Sample (d)	-9.9999			
Reaction Time	10 min	Prozone form	None			*Endpoint method				
		Prozone limit	9.999			Re. absorb (µ)	9.9999			
		Prozone judge	Upper limit			Re. absorb (µ)	-9.9999			
		Judge limit	9.999							
Analysis item			M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0				
Condition setting (M)			M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0				
							IMA setting			
							Setting			
							Allowance			

PREPARO DO REAGENTE DE USO: ADICIONAR 9 PARTES DO R1 TAMPÃO A 1 PARTE DO R2 SUBSTRATO.

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

LDH CINÉTICO

CÓDIGO	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/470-100	100	1000

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK: passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	2.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	2.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	2.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	80.00	Sub Param. 46	1	up	down					
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions		Standards setting						
R2 volume	20.00	Name	LDH	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	0			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	340nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	RRA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00									
Sample Vol (S)	2.00									
Sample Vol (U)	2.00									
		Qualit. Judgment set		M-DET.P.l	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Dec	
		Real time correct form		M-DET.P.m	25	S-DET.P.r	0	Reaction rate method		
		Reanalysis conditions		M-DET.P.n	36			Cycle	2	
		Rerun conditions set		Check D.P.I	0			Factor	2.0	
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting		Limit value	0.003			E2 corre	Not do	
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting		Variance	10.0			blank (µ)	9.9999	
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting		*Prozone				blank (d)	-9.9999	
Reaction Time	10 min			Prozone form	None			Sample (µ)	9.9999	
				Prozone limit	9.999			Sample (d)	-9.9999	
				Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method		
				Judge limit	9.999			Re.absorb(µ)	9.9999	
Analysis item								Re.absorb(µ)	-9.9999	
Condition setting (M)				M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0			
				M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0			
								IMA setting		
								Setting		
								Allowance		

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

MAGNÉSIO MONOREAGENTE

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/500-100	100	1000

Multi-Standards setting										
Formula	Linear correction		BLANK: passes		Axis conv.		No convert.		Points	3
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L		
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume				
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999	

Analytical Conditions										
R1 volume	100.00	Sub Param.46		1	up	down				
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions								
R2 volume	0.00					Standards setting				
		Name	MAG	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	2			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	505nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	*****							
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	1.00	M-DET.P.l	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	1.00	M-DET.P.m	18	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		M-DET.P.n	19			Cycle	2			
		Check D.P.I	0			Factor	2.0			
		Limit value	0.003			E2 corre	Not do			
		Variance	10.0			blank(μ)	9.9999			
Reagent 1 stir	Weak	Qualit. Judgment set		*Prozone		blank(d)	-9.9999			
Reagent 2e stir	Weak	Real time correct form		Prozone form	None	Sample(μ)	9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Reanalysis conditions		Prozone limit	9.999	Sample(d)	-9.9999			
Reaction Time	10 min	Rerun conditions set		Prozone judge	Upper limit					
		Mark setting		Judge limit	9.999	*Endpoint method				
		Normal Value setting		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re.absorb(μ)	9.9999	
		Abnormal Value setting		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re.absorb(μ)	-9.9999	
				IMA setting						
				Setting						
				Allowance						

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

PROTEÍNAS TOTAIS

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/530-250	250	2500

Multi-Standards setting									
Formula	Linear correction		BLANK:passes		Axis conv.	No convert.		Points	3
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions											
R1 volume	100.00	Sub Param.46			1	up	down				
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions								Standards setting	
R2 volume	0.00	Name	PROT	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting	
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare	
R1 Extra vol		M-wave.L.	545nm								
R2e Extra vol		S-wave.L.	694nm								
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA								
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD								
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do								
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting									
Sample Vol (S)	1.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc				
Sample Vol (U)	1.00	M-DET.P.m	18	S-DET.P.r	0	Reaction rate method					
		M-DET.P.n	19			Cycle	2				
		Check D.P.I	0			Factor	2.0				
		Limit value	0.003			E2 corre	Not do				
		Variance	10.0			blank(μ)	9.9999				
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting		*Prozone		blank(d)	-9.9999				
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting		Prozone form	None	Sample(μ)	9.9999				
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting		Prozone limit	9.999	Sample(d)	-9.9999				
Reaction Time	10 min	Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method					
		Judge limit	9.999			Re.absorb(μ)	9.9999				
Analysis item		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re.absorb(μ)	-9.9999				
Condition setting (M)		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0						
		IMA setting									
		Setting									
		Allowance									

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

PROTEÍNA URINÁRIA

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/540-100	100	1000

Multi-Standards setting										
Formula				BLANK:				Axis conv.		
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L		
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume				
BLK										
1										
2										
Analytical Conditions										
R1 volume	100.00	Sub Param.46		1	up	down				
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions				Standards setting				
R2 volume	0.00	Name	PURI	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	596nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	658nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	STD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00	Calculation method setting								
Sample Vol (S)	2.00	M-DET.P.1	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc			
Sample Vol (U)	2.00	M-DET.P.m	18	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		M-DET.P.n	19			Cycle	2			
		Check D.P.I	0			Factor	2.0			
		Limit value	0.003			E2 corre	Not do			
		Variance	10.0			blank(μ)	9.9999			
Reagent 1 stir	Weak	Mark setting		*Prozone						
Reagent 2e stir	Weak	Normal Value setting		Prozone form	None	blank(d)	-9.9999			
Reagent 2 stir	Weak	Abnormal Value setting		Prozone limit	9.999	Sample(μ)	9.9999			
Reaction Time	10 min	Prozone judge	Upper limit							
		Judge limit	9.999							
Analysis item		*Endpoint method								
Condition setting (M)		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re. absorb(μ)	9.9999			
		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re. absorb(μ)	-9.9999			
		IMA setting								
		Setting								
		Allowance								

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

TRIGLICÉRIDES ENZIMÁTICO

CÓDIGO.	VOLUME (mL)	Nº. TESTES
100/610-100	100	1000
100/610-200	200	2000
100/610-500	500	5000

Multi-Standards setting

Formula	Linear correction	BLANK:passes	Axis conv.	No convert.	Points	3			
FV	Reac. Smp	Dilution	Dil. Smp	Diluent	Diluent	Diluent	STD-H	STD-L	
	Volume	Method	Volume	Volume	position	volume			
BLK	0.0	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
1	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999
2	@	1.0	No dilution	0.000	0.000	0	0.000	9.99999	-9.99999

Analytical Conditions

R1 volume	100.00	Sub Param.46	1	up	down					
R2e volume	0.00	Sub -anali-conditions								
R2 volume	0.00	Standards setting								
		Name	TRI	FV	#	BLK-L	-9.9999	STD H	9.9999	Multi-STD Setting
		Digits	1			BLK-H	9.9999	STD H	-9.9999	Error Judge rare
R1 Extra vol		M-wave.L.	505nm							
R2e Extra vol		S-wave.L.	658nm							
R2 Extra vol		Anal.mthd	EPA							
R1 diluent vol	0.00	Calc. mthd	MSTD							
R2e diluent vol	0.00	Quali.judg	Not do							
R2 diluent vol	0.00									
Sample Vol (S)	1.00									
Sample Vol (U)	1.00									
		Calculation method setting								
		M-DET.P.l	0	S-DET.P.p	0	Reac. typ	Inc			
		M-DET.P.m	40	S-DET.P.r	0	Reaction rate method				
		M-DET.P.n	41			Cycle	2			
		Check D.P.I	0			Factor	2.0			
		Limit value	0.003			E2 corre	Not do			
		Variance	10.0			blank(μ)	9.9999			
		*Prozone				blank(d)	-9.9999			
		Prozone form	None			Sample(μ)	9.9999			
		Prozone limit	9.999			Sample(d)	-9.9999			
		Prozone judge	Upper limit			*Endpoint method				
		Judge limit	9.999							
		M-DET.Pm	0	S-DET.P.p	0	Re.absorb(μ)	9.9999			
		M-DET.P.n	0	S-DET.P.r	0	Re.absorb(μ)	-9.9999			
		IMA setting								
		Setting								
		Allowance								

Analysis item

Condition setting (M)

≠ Quando utilizar somente um calibrador, deve-se alterar o item Calc. Mthd. para STD e introduzir o valor do calibrador no item FV.

** Checar o fator com o uso de um soro controle ou calibrador.

@ utilizar calibrador proteico. Introduzir os valores na função Multi-STD Setting.

Todos os dados desta programação deverá ser validada pelo laboratório.

Consultar a instrução de uso do produto para maiores informações a respeito da metodologia, reagentes e amostras.

